

## Ingénieur de Recherche – Bioinformatique et génétique bactérienne

**Durée du poste** : 24 mois

**Début de contrat** : 1er trimestre de 2017

**Ville** : Lyon

**Emploi type** : Ingénieur de Recherche en Bioinformatique/Biostatistique

**Gestionnaire/ Laboratoire**: Centre International de Recherche en Infectiologie (CIRI)- INSERM U1111-UMR CNRS 5308-ENS-UCBL1,  
Equipe "Pathogenèse des infections à staphylocoques"

**Adresse** : Faculté de médecine Laennec  
7 rue Guillaume Paradin  
69008 LYON, FRANCE

Hospices Civils de Lyon  
Centre de Biologie Nord - Laboratoire de Bactériologie  
Hôpital de la Croix-Rousse  
103 Grande Rue de la Croix Rousse, 69004 LYON, FRANCE

**Nom et prénom du contact** : Frédéric Laurent , Patricia Martins Simoes

**email du contact** : [frederic.laurent@univ-lyon1.fr](mailto:frederic.laurent@univ-lyon1.fr) , [patrica.martins-simoes@inserm.fr](mailto:patrica.martins-simoes@inserm.fr)

**Date de validité** : 31.12.2016

### Description des missions

Un contrat de chercheur postdoctoral/ingénieur de recherche en bioinformatique d'une durée de 24 mois est disponible au sein de l'équipe CIRI "Pathogenèse des infections à staphylocoques" à Lyon, avec prise de fonctions souhaitée en janvier 2017.

La personne recrutée sera en charge de :

- Conduire des analyses de RNAseq sur des transcriptomes de bactéries *Staphylococcus aureus* dans le cadre de plusieurs projets.
- Mettre en œuvre des outils bioinformatiques pour analyser les données NGS et de RNA-Seq de souches de *S. aureus*.
- Participer à la mise en place et l'entretien d'une base de données.
- Développer et appliquer des outils bioinformatiques directement utilisables par les biologistes, destinés à la comparaison des génomes et de leurs expressions et à la représentation de ces comparaisons.
- Favoriser l'interface entre les partenaires biologistes et bioinformaticiens du projet.
- Diffuser et valoriser les résultats sous forme de rapports techniques, de publications ou de présentations orales
- Organiser la veille scientifique et technologique
- Définir, en interaction étroite avec les biologistes, le plan d'étude et de recueil des données le mieux adapté au problème posé

### Compétences

- Très bonnes compétences en bioinformatique, en particulier dans le domaine de l'analyse de données d'expression (RNA-Seq) et des données de séquençage haut débit en général, l'analyse des génomes (e.g., assemblage, annotation, prédictions de SNPs, présence/absence de gènes).

- Très bonnes compétences en analyse statistique de données et disponibilité pour assistance statistique sur d'autres projets au sein de l'équipe.
- Maîtrise de langages de programmation couramment utilisées en bioinformatique (e.g., C/C++, Python, Perl, R).
- Maîtrise de l'anglais scientifique et technique.
- Maîtrise de l'environnement UNIX/LINUX; expérience solide en manipulation et analyse de données de séquences issues des nouvelles technologies de séquençage (NGS). Connaissance en évolution moléculaire serait un plus.
- Capacités personnelles : autonomie, travail en équipe, sens de l'initiative et de l'observation, capacité d'interagir avec des personnes ayant différentes compétences (biologie, bioinformatique, informatique, statistique).
- PhD dans une discipline relevante (bioinformatique, évolution et biologie moléculaire, biostatistique, microbiologie, ...)

## Lieu

L'activité s'exercera au sein de l'équipe :

- "Pathogenese des infections à staphylocoques" (dir. François Vandenesch, co-dirigé par Frédéric Laurent) au Centre International de Recherche en Infectiologie (CIRI), Hôpital de la Croix Rouse, Lyon (Encadrement Frédéric Laurent , Patricia Martins Simoes).

**Salaire** : Grille Ingénieur de Recherche de la fonction publique.

**Contact** : Demande d'information, CV et lettre de motivation à adresser à [frederic.laurent@univ-lyon1.fr](mailto:frederic.laurent@univ-lyon1.fr)

Tel Sec.: 04 72 07 18 37, Tel Direct: 04 72 07 18 39, Tel Port.: 06 74 25 65 09

[patrica.martins-simoes@inserm.fr](mailto:patrica.martins-simoes@inserm.fr) , tel : 04 72 00 37 93