



Centre  
International  
de Recherche  
en Infectiologie

Durée du poste: 1 an (renouvelable)

Ville: Lyon

Laboratoire: Centre International de Recherche en Infectiologie (CIRI)- INSERM U1111-UMR CNRS 5308-ENS-UCBL1, Equipe "Pathogenèse des infections à staphylocoques"

Adresse:

Hospices Civils de Lyon

Centre de Biologie Nord - Laboratoire de Bactériologie

Hôpital de la Croix Rousse

103 Grande Rue de la Croix Rousse

69004 Lyon

Nom et prénom du contact: Prof Laurent, Frédéric

PhD, Martins Simoes, Patricia

Email du contact:

[frederic.laurent@univ-lyon1.fr](mailto:frederic.laurent@univ-lyon1.fr)

[patricia.martins-simoes01@chu-lyon.fr](mailto:patricia.martins-simoes01@chu-lyon.fr)

Date de validité: 01/02/2017

Description du poste:

Poste à pourvoir au 1er trimestre de 2017.

Un contrat de chercheur post-doctoral/ingénieur de recherche en bioinformatique d'une durée de 24 mois est disponible au sein de l'équipe CIRI "Pathogenèse des infections à staphylocoques" à Lyon, avec prise de fonctions souhaitée en janvier 2017.

La personne recrutée aura au minimum de 2 années d'expérience dans le domaine de la bio-informatique (laboratoire académique, entreprise), sera titulaire d'un doctorat en bioinformatique/biostatistique, microbiologie, biologie évolutive disposera de compétences solides en bio-informatique:

1. Expérience dans la manipulation, le traitement et l'analyse des données omiques issus de NGS (alignement, parsing, analyse de séquences, ...). Entre autres, une forte expérience avec des associations génome-phenotype (GWAS), comparaisons "genome-wide" de génomes, voies et réseaux génomiques.
2. Excellente connaissance des outils d'analyse en transcriptomique et la personne sera en mesure de faire de l'analyse différentielle (analyse statistique de données issues des techniques de séquençage nouvelle génération).

3. Maîtrise de Python, Java, NumPy, SciPy, Perl (CGI, perl objet), l'environnement UNIX et vous avez des fondamentaux de R et savez représenter vos données sous R. Bases de données : Mysql
4. Excellente connaissance des bases de données génomiques, protéiques et d'expression (ENSEMBL, NCBI, UCSC, UNIPROT, ...) et des outils bio-informatiques.
5. Fortes aptitudes de collaboration et aptitude à travailler efficacement dans des équipes pluridisciplinaires.
6. Solides aptitudes à la communication et à la présentation, écrites et orales.

### **Qualités personnelles**

- Autonomie
- Rigueur, organisation et méthode
- Esprit d'équipe
- Créativité
- Écoute et communication
- Aisance relationnelle
- Capacités d'analyse et esprit de synthèse
- Qualité rédactionnelle
- Ouverture d'esprit